脂氧素受体激动剂BML-111对H22细胞 增殖、代谢的作用及其机制研究

胡泉东^{1,2*}李美静³周斌¹杨玉娟¹ ('绍兴职业技术学院医学院, 绍兴 312000; ²南昌大学基础医学院, 南昌 330006; ³烟台毓璜顶医院肝胆外科, 烟台 264000)

摘要 该文旨在探讨脂氧素受体激动剂 BML-111对 H22细胞的影响及机制。利用小鼠肝癌 细胞株 H22,构建肿瘤相关体内外模型,并给予脂氧素受体激动剂 BML-111和脂氧素受体阻断剂 BOC-2分别作为治疗组和阻断剂组。体内实验,测定小鼠皮下肿瘤质量、体积。体外实验,CCK8 法检测细胞活力,试剂盒检测细胞乳酸含量、葡萄糖含量、ATP含量、谷氨酰胺代谢情况,Western blot检测磷酸酶张力蛋白同源物基因(phosphatase and tensin homolog deleted on chromosome ten, PTEN)的蛋白含量,qRT-PCR法检测PTEN mRNA表达情况。治疗组较CON组和阻断剂组皮下肿瘤 质量和体积均有所减小。与CON组相比,BML-111可以抑制肝癌细胞活力,可明显降低H22细胞葡萄糖含量、乳酸含量以及谷氨酰胺含量(P<0.05)。同时 BML-111可以提高 PTEN的表达水平,而脂 氧素受体阻滞剂 BOC-2可以逆转所有这些现象。BML-111通过降低肝癌细胞糖酵解及谷氨酰胺代 谢水平,抑制肝癌细胞的增殖,降低肝癌细胞的能量代谢水平,其作用机制可能与调控PTEN的表达 相关。

关键词 脂氧素; 肝癌; 能量代谢; 磷酸酶张力蛋白同源物基因

Research on the Effects and Mechanisms of Lipoxin-Receptor Agonist BML-111 on H22 Cell Proliferation and Metabolism

HU Quandong^{1,2*}, LI Meijing³, ZHOU Bin¹, YANG Yujuan¹

(¹Medical School of Shaoxing Vocational & Technical College, Shaoxing 312000, China; ²Basic Medical College of Nanchang University, Nanchang 330006, China; ³Hepatobiliary Surgery Department of Yantai Yuhuangding Hospital, Yantai 264000, China)

Abstract This study aims to investigate the effects and mechanisms of lipoxin-receptor agonist BML-111 on H22 cells. Mouse liver cancer cell line H22 was used to construct tumor related *in vitro* and *in vivo* models, and lipoxin-receptor agonist BML-111 and lipoxin-receptor blocker BOC-2 were administered as the treatment group and blocker group, respectively. *In vivo* experiments were conducted to determine the mass and volume of subcutaneous tumors in mice. For *in vitro* experiments, CCK8 method was used to detect cell viability, kit method was used to detect cell lactate content, glucose content, ATP content, and glutamine metabolism. Western blot was used to detect the protein content of PTEN (phosphatase and tensin homolog deleted on chromosome ten). qRT-PCR method was used to detect *PTEN* mRNA expression. The mass and volume of subcutaneous tumors in the treatment group decreased compared with the CON group and the blocker group. Compared with the CON group, BML-111 could inhibit the vitality

收稿日期: 2024-10-24 接受日期: 2024-12-09

浙江省教育厅科研项目(批准号: Y202456093)资助的课题

*通信作者。Tel: 0575-88340809, E-mail: huqd@sxvtc.edu.cn

Received: October 24, 2024 Accepted: December 9, 2024

This work was supported by the Research Project of Zhejiang Provincial Department of Education (Grant No.Y202456093)

*Corresponding author. Tel: +86-575-88340809, E-mail: huqd@sxvtc.edu.cn

of liver cancer cells, significantly reduce glucose content, lactate content, and glutamine content in H22 cells (P<0.05). Meanwhile, BML-111 could increase the expression level of PTEN, while the lipoxin-receptor blocker BOC-2 could reverse all of these phenomena. BML-111 inhibits the proliferation and energy metabolism of liver cancer cells by reducing glycolysis and glutamine metabolism. Its mechanism of action may be related to the regulation of PTEN expression.

Keywords lipoxins; liver cancer; energy metabolism; PTEN

肝细胞癌(hepatocellular carcinoma, HCC)是 常见的恶性肿瘤,预后不佳,其中原发性肝癌占 75%~85%[1]。肝脏恶性肿瘤在全球最常见的恶性 肿瘤中发病率排在第6位,致死率高居第4位,每年 新发病例超过80多万,且50%发生在中国^[2]。脂氧 素(lipoxins, LXs)作为花生四烯酸代谢产物的一种, 具备特异的抗炎及促炎症消退作用,且该作用经由 LXs受体所介导, 通过对LXs及受体机制的深入研 究,可为肿瘤疾病的临床治疗提供新思路。但是天 然LXs在化学上不稳定,在体内通过脱氢和氧化(取 决于局部环境)容易被代谢^[3-4],许多稳定的LXs类似 物被研究合成并广泛应用。5(S),6(R),7-三羟基庚 酸甲酯 [5(S),6(R),7-trihydroxyheptanoic acid methyl ester, BML-111]是最典型的生物合成LXs受体激动 剂,常用于LXs的替代治疗研究。体内外研究均表 明,LXs能增强免疫细胞在抗肿瘤免疫中的作用,抑 制乳腺癌细胞、前列腺癌细胞的生长,且能够抑制 肿瘤细胞增殖并促进其凋亡,属于内源性炎症反应 "刹车信号"家族成员^[5]。1924年,德国生物化学家 WARBURG等⁶⁰研究发现肝癌细胞较正常细胞能够 更多地摄取葡萄糖,这一发现即为著名的Warburg效 应,Warburg效应是肿瘤的重要代谢特征。肿瘤细胞 在增殖、分化过程中,糖酵解增强,乳酸生成增多。 随着现代医学技术的发展,临床上通过检测机体对 葡萄糖的摄取情况来辅助诊断、监测肿瘤^[7]。磷酸 酶张力蛋白同源物基因(phosphatase and tensin homolog deleted on chromosome ten, PTEN)是重要的肿 瘤抑制基因,经由PI3K/AKT信号通路实现对细胞生 长、增殖的调控作用,是上世纪末首次发现的首个 具备双重活性的抑癌基因,临床已经证实其在细胞 周期阻滞、细胞增殖调控方面均有显著作用[8-9]。

以上研究表明能量代谢与肿瘤的发生发展有 密切关系,PTEN参与肿瘤细胞的生长。但是,脂氧 素在体内是否抑制肿瘤的生长、PTEN与肝癌的发 生发展是否存在关联,脂氧素是否通过调控能量代 谢干扰肿瘤增殖, 脂氧素是否可以激活PTEN都还不 清楚。本研究通过小鼠肝癌细胞株H22, 在能量代 谢基础之上探讨脂氧素受体激动剂BML-111对肝癌 的干预作用。

1 材料与方法

1.1 实验动物

选取40只健康状态 SPF级雄性昆明小鼠, 生长 周期4~6周, 平均(5.12±0.45)周, 体质量16~25 g, 平均 (20.37±2.08) g, 小鼠培养期间所用饲料及饮用水均 采用高压蒸汽灭菌, 南昌大学实验动物中心专人进 行日常饲养, 饲养环境保持25~27 °C恒温, 湿度环境 保持45%~50%。所有动物护理和实验程序均按照 中国实验动物福利立法进行, 并经南昌大学实验动 物伦理委员会批准(批准号: 2020-0006)。

1.2 细胞

肝癌H22细胞株购自中国科学院上海细胞库, 在液氮中保存。

1.3 实验试剂

BML-111购自武汉艾美捷科技有限公司。 BOC-2购自金斯瑞科技生物股份有限公司。葡萄糖 含量检测试剂盒、乳酸含量检测试剂盒、ATP含量 检测试剂盒、谷氨酰胺检测试剂盒、CCK8试剂盒购 自上海西唐生物科技有限公司。BCA蛋白定量试剂 盒购自武汉博士德生物有限公司。β-actin抗体购自美 国Abcam公司。PTEN抗体购自美国CLOUD-CLONE 公司。RNA提取试剂盒、cDNA合成试剂盒、荧光定 量PCR试剂盒购自北京全式金生物技术公司。

1.4 主要设备

净化工作台购自吴江市友诚净化设备厂。倒 置显微镜购自深圳市三诺仪器设备厂。离心机购自 美国ThermoFisher Scientific公司。电泳仪购自北京 六一生物科技有限公司。高压灭菌锅购自上海博谊 生物科技有限公司。CO2培养箱购自上海木森生物 科技有限公司。游标卡尺购自成都成量工具集团有 限公司。分析天平购自天津市精拓仪器科技有限公司。多功能酶标仪购自美国Agilent公司。荧光定量 PCR仪购自北京北嘉美仪生物科技有限公司。EPC-G500全自动凝胶成像系统购自安徽埃帕柯仪器有限公司。

1.5 肿瘤建模

①将增殖情况较好的对数周期H22细胞去除上 清液后,用酶消化法进行酶解(室温、30 min)。在此 基础上,加入高温灭活的的DMEM培养基(10% FBS, pH7.4)进行离心(1 200 r/min、5 min)分离。以锥虫蓝 为例,经PBS洗涤2次后,锥虫蓝染色法计算细胞的存 活率,并以平板计数法,调节悬浮液浓度到1×10⁹/mL。 ②取30只SPF级正常雄性小鼠,将0.2 mL的细胞悬液 接种至小鼠右侧腋窝下,进行移植。③在种植区域内 出现的明显肿块(瘤体直径大于5 mm)即为种植体。

1.6 体内实验分组及实验方法

将造模成功的小鼠随机分为3组: CON组(12只)、 BML-111组(12只)和BOC-2组(12只),每周皮下注射2 次持续4周,荷瘤小鼠的质量和肿瘤大小在用药之前 没有显著的差别(P>0.05)。PBS组小鼠体内经肿瘤长 轴注入PBS(0.1 mL/kg)。BML-111治疗组荷瘤小鼠皮 下注射BML-111(1 mg/kg)。BOC-2阻断剂组给予脂 氧素受体阻滞剂BOC-2(50 μg/kg),30 min后皮下注射 BML-111(1 mg/kg)。最后一次给药后,剥离小鼠腋下 肿瘤,分析天平称取每只小鼠的肿瘤质量,用游标卡 尺测量每只小鼠的肿瘤长、短径并计算肿瘤体积,肿 瘤体积=(肿瘤长径×肿瘤短径²)/2^[10]。

1.7 细胞培养

H22细胞在含有10%胎牛血清、100 U/mL青霉素、 0.1 mg/L链霉素的DMEN/F12培养基中进行培养,并 将其放置于37 °C、5% CO₂的孵化箱内进行孵化;每 日对细胞的生长状况进行监测,并执行细胞的传代培 养工作;选取处于对数增长期的细胞,以每孔5×10⁵个 细胞的密度接种到6孔培养板中,继续进行孵化。构 建缺乏谷氨酰胺的细胞模型:移除常规的DMEM培 养基,并对正常细胞进行清洗;加入不含谷氨酰胺的 DMEM培养基,并将细胞在此培养基中孵化24 h。

1.8 细胞分组

将细胞分为3组,(1) CON组:根据实验需要将细胞 接种到96孔板中,接种密度为1×10⁶/mL,加入PBS作为 对照;(2) BML-111组:接种密度为1×10⁶/mL,加入BML-111(终浓度为100 nmol/L);(3) BOC-2组:接种密度为 1×10⁶/mL,同时加入BML-111(终浓度为100 nmol/L)和BOC-2(终浓度为10 µmol/L)^[11]。

1.9 肿瘤组织匀浆液的制备

取100 mg肝癌组织,用冰PBS清洗3次,然后 在匀浆器中加入1 mL冰PBS并充分研磨肝癌组 织。-80 °C速冻,并在42 °C水浴锅中解冻,反复冻 融2次。10 000 r/min、4 °C离心15 min。取上清, -80 °C保存,以备后续实验使用。

1.10 皮下肿瘤质量和体积的测量

最后一次给药后,剥离小鼠腋下肿瘤,分析天 平称取每只小鼠的肿瘤质量,借助游标卡测量小鼠 肿瘤组织长、短径,并计算瘤体体积。

1.11 CCK8法检测细胞活力

采用DEEM/F12法将H22细胞制成单个悬浮液,每 孔5 000个/孔,置于37 ℃、5% CO₂恒温培养箱中,按预 先试验的剂量分别添加BML-111(终浓度 100 nmol/L)、 BOC-2(终浓度10 μmol/L),并按预先试验浓度梯度添加 BML-111(终浓度 100 nmol/L)。分别测定24、48、72 h 的细胞活性。培养24 h、48 h、72 h后,去除初始培养 液,加入100 μL CCK8工作溶液(1:10)于每个孔中。将 平板置于37 ℃、5% CO₂的恒温培养箱中,保温时间为 60 min,在450 nm波长下测量其吸光度(D)值。

1.12 细胞ATP含量及谷氨酰胺含量检测

提取培养液中的细胞群,向每孔注入200 μL的 ATP分解溶液,随后将细胞加入其中,并在冰上不 断搅拌,4°C、12 000 r/min离心5 min,随后分离上 清液。将ATP检测试剂按照1:5的比例稀释,制备成 ATP检测专用溶液。将100 μL的检测专用溶液倒入 检测孔中,在室温下静置5 min,然后向每个孔中加 入50 μL的样品,快速混合均匀。利用多功能酶标检 测仪测量吸光度。根据试剂盒的指导,分别对CON 组、BML-111组、BOC-2组进行操作,按照试剂盒 的详细步骤添加相应试剂,混合均匀后,在37°C的 水浴中孵育15 min,于630 nm波长下读取D值。计 算谷氨酰胺的浓度,谷氨酰胺浓度=[(测量D值-空白 D值)/(标准D值-空白D值)]×标准品浓度,其中标准 品浓度为2 mmol·L⁻¹。

1.13 乳酸分泌与葡萄糖利用情况检测

用荧光素酶微液滴技术检测细胞培养基中乳酸含量,乳酸及葡萄糖含量检测依照试剂盒说明进行。细胞造模完成后,去除培养液,PBS清洗1次,用胰蛋白酶将其溶解(37°C、30 min),1 000 r/min、

室温离心10 min, 去除上清液, 得到的是细胞沉淀。 在PBS洗涤2次之后, 添加100 μL PBS/孔进行超声 波细胞粉碎处理, 每次超声5 s, 间隔30 s, 重复5次, 并对其进行BCA检测。葡萄糖含量检测: 将5 μL的 细胞介质与195 μL的工作液混合, 37 °C处理20 min 后, 充分混匀并取反应液250 μL/管于96孔板中, 使 用酶标仪于570 nm波长处测定吸收度(*D*₅₇₀)。乳酸 含量检测:将20 μL的细胞溶解上清与200 μL的显 色剂混合, 37 °C水浴10 min, 添加2 mL终止溶液, 搅拌均匀后取反应液250 μL/管于96孔板中, 使用 酶标仪于530 nm波长处测定吸光度(*D*₅₃₀)值。

1.14 qRT-PCR检测肿瘤组织中*PTEN*基因表达 情况

PTEN以GAPDH为内参,它们用于qRT-PCR的 引物序列由上海捷瑞生物工程有限公司设计和合 成。使用Eastep Super Total RNA提取试剂盒从肿 瘤组织中分离 RNA,用反转录试剂盒逆转录合成 cDNA,并以此为模板进行qRT-PCR检测。热循环参 数为:95°C预变性10 s;然后是95°C变性5 s,60°C 退火10 s,72°C延伸10 s,共循环40次。据2^{-AAC}计算 组织中PTEN mRNA的相对表达量。引物序列如下: PTEN上游引物5'-AGG GAC GAA CTG GTG TAA TGA-3',下游引物5'-CTG GTC CTT ACT TCC CCA TAG AA-3'; GAPDH上游引物5'-GTG GCA AAG TGG AGA TTG TTG-3',下游引物5'-CGT TGA ATT TGC CGT GAG TG-3'。

1.15 免疫蛋白印迹法检测肿瘤组织中PTEN蛋 白表达情况

将肿瘤组织(100 mg)在1 000 µL RIPA中进行 裂解。4 °C、12 000 r/min离心20 min,获得上清液。 BCA试剂盒测定蛋白质浓度。制备10 mL的分离剂与 3 mL的5%浓缩胶。将肿瘤组织蛋白质样本在100 °C 下煮沸5 min,然后在冰上冷却10 min。首先添加4 µL Marker蛋白,再按照预先确定的次序添加40 µg的蛋白 质,在60 V恒压下进行30 min的电泳,然后用100 V恒 压进行电泳直到将目的蛋白质分离出来。进一步将 其电转移至 PVDF膜上。5%脱脂奶粉封闭液室温孵 育PVDF膜1 h,用TBST洗1次封闭后的PVDF膜,然后 将 PVDF膜放在一抗稀释液(1:300)中,在4 °C下慢摇 过夜。TBST清洗3次,每次10 min,然后与对应的辣根 过氧化物酶标记的二抗工作液(1:6 000)室温孵育1 h。 TBST清洗3次,每次10 min,用辣根过氧化物酶发光 液,于Image Lab凝胶成像系统曝光,用Image-Pro Plus 6.0软件进行灰度分析。

1.16 统计学分析

借助SPSS 25.0软件开展数据分析, 计量资料以(*x*±*s*)形式表述, 组间比较采用*t*检验, 三组间统 计使用方差分析, *P*<0.05表示差异有统计学意义。 GraphPad Prism为本次所用作图软件。

2 结果

2.1 BML-111对肝癌细胞生长具有显著的抑制作 用

在本项研究中,我们观察到BML-111处理组的肿 瘤体积在视觉上明显小于CON组、BOC-2组肿瘤体 积(图1), BML-111组肿瘤形状多呈不规则扁平; CON 组、BOC-2组肿瘤形状呈不规则圆形,表面有明显 出血坏死(图2A)。BML-111组肿瘤的体积和质量与 CON组相比明显减小(P<0.05), BML-111组体积和质 量与BOC-2组相比也明显减小(P<0.05)(图2B和图3)。

2.2 BML-111对H22细胞活力的影响

各组H22细胞培养24、48和72 h后,分别测定细胞活性。与CON组相比,BML-111组细胞在24、48和72 h后的细胞活力均显著降低(P<0.01)。与BML-111组相比,BOC-2组各时段H22细胞活力明显升高(P<0.01),见表1和图3。

2.3 BML-111对H22细胞谷氨酰胺和ATP代谢的 影响

BML-111组H22细胞谷氨酰胺含量和ATP浓度 明显低于CON、BOC-2组(P<0.01),见表2和图4。结 果提示BML-111干扰了H22细胞的能量代谢。

2.4 BML-111对H22细胞葡萄糖代谢和乳酸分泌的影响

BML-111组H22细胞葡萄糖和乳酸含量明显低于CON、BOC-2组(P<0.01),见表3和图5。这些结果显示BML-111可促进H22细胞对葡萄糖的利用,减少乳酸生成,说明BML-111具有一定的促进H22细胞有氧氧化的作用。

2.5 BML-111促进肿瘤组织中PTEN的mRNA表达

结果显示, BML-111可促进肿瘤组织中PTEN的 mRNA表达(P<0.01); 阻断剂BOC-2可以逆转BML-111的效应(图6)。

2.6 BML-111促进肿瘤组织中PTEN的蛋白表达 经Western blot法检测证实, BML-111组PTEN的



A: H22细胞于小鼠右腋下接种成功后,观察每组小鼠肿瘤组织生长情况。图中黑色方框内为接种部位的肿瘤组织。B: 测量小鼠肿瘤组织体积。 **P<0.01, ##P<0.01。

A: after successful inoculation of H22 cells into the right axilla of mice, observe the growth of tumor tissue in each group of mice. The black box in the picture represents the tumor tissue at the inoculation site. B: measure the volume of mouse tumor tissue. **P < 0.01, #P < 0.01.



图1 BML-111作用下肿瘤体积缩小 Fig.1 Tumor volume reduction under the action of BML-111

A:小鼠肿瘤组织外观。B:小鼠各肿瘤组织称重。***P<0.001, ##P<0.01。

A: appearance of mouse tumor tissues. B: weigh the tumor tissues of mice. ***P<0.001, ##P<0.01.

图2 BML-111作用下肿瘤质量减轻

Fig.2 Tumor mass is reduced under the action of BML-111

Table 1 The effect of BML-111 on the viability of H22 cells					
组别	D值 D value				
CON	0.239±0.009	0.421±0.025	0.638±0.021		
BML-111	$0.141 \pm 0.007 **$	0.312±0.026**	0.507±0.018**		
BOC-2	$0.221 {\pm} 0.005^{{\#}}$	0.411±0.019 ^{##}	0.625±0.011 ^{##}		

表1 BML-111对H22细胞活力的影响

**P<0.01,与CON组相比; ##P<0.01,与BML-111组相比。

**P<0.01 compared with CON group; ^{##}P<0.01 compared with BML-111 group.

蛋白表达量显著高于对照组,而阻断剂BOC-2逆转 了BML-111的作用效应(图7和表4)。

3 讨论

HCC患者具有生存周期短且生存质量低下的 特点^[12]。当前HCC临床治疗主要以切除、移植、放 化疗和外科手术综合治疗为主,五年生存率低于5%, 总体上预后情况不理想[13]。

前期研究发现采用小鼠模型,能较好地模拟人 类肿瘤进展期的组织学特点,更有利于判断肿瘤的 发生以及免疫系统对肿瘤的作用,所以本研究实验 对象选择小鼠模型^[14]以观察药物对肿瘤的作用效 果。本研究结果显示,外观上BML-111组肿瘤体积 明显小于CON组、BOC-2组肿瘤体积,BML-111组



图3 BML-111对H22细胞活力的影响 Fig.3 The effect of BML-111 on H22 cell viability

表2 BML-111降低谷氨酰胺的生成和能量代谢

Table 2	BML-111	reduces	glutamine	production	and energy	metabolism

组别	Gln /umol·L ⁻¹	ATP /umol·L ⁻¹
Group		ATT /µmor L
CON	190.06±4.27	277.37±11.22
BML-111	151.15±4.65**	236.35±13.09**
BOC-2	180.82±5.43 ^{##}	268.61±14.61 ^{##}

**P<0.01,与CON组相比;##P<0.01,与BML-111组相比。

**P<0.01 compared with CON group; ^{##}P<0.01 compared with BML-111 group.



A:各组中谷氨酰胺含量;B:各组中ATP含量。**P<0.01, ##P<0.01, n=6。

A: glutamine content in each group; B: ATP content in each group. **P < 0.01, $^{\#}P < 0.01$, n=6.

图4 BML-111减少H22细胞谷氨酰胺和ATP的生成



形状多呈不规则扁平; CON组、BOC-2组形状呈不规则圆形,表面有明显出血坏死。BML-111组肿瘤的体积和质量与CON组相比明显减小, BML-111组体积和质量与BOC-2组相比也明显减小。

Gln代谢在肿瘤发生发展中起着关键作用,而 Gln是由细胞膜上的Gln转运体介导的。最新研究表 明,肿瘤细胞能量代谢的分子机制已成为研究癌症 治疗的新方向^[15]。已有研究表明,Gln为生命活动所 需的能源,而在肿瘤发生发展时,则需消耗较多的 Gln,提示Gln可能参与了肿瘤的代谢^[16]。传统的肿 瘤细胞能量代谢方式主要有两种:(1)葡萄糖有氧糖 酵解(糖酵解),(2)以补充Gln为基础的三羧酸循环。 其中,谷氨酸可以补充三羧酸循环,同时也可以为生 物大分子的合成提供充足的氮源。同时,它也是谷 胱甘肽的前体物,具有抵抗氧化的功能^[17]。谷氨酰 胺酶(glutaminase,GLS)作为谷氨酰胺酵解限速酶, 可调控机体的谷氨酰胺代谢。已有研究表明,GLS 能将Gln转化为谷氨酸,从而影响癌细胞的生长和 转移^[18]。GRINDE等^[19]利用乳腺癌细胞(MAS98.06) 建立裸鼠荷瘤动物,每日2次给予GLS1抑制剂(CB-839) 200 mg/kg,28天后,裸鼠体内成瘤速度变慢,说 明GLS1抑制剂具有明显的抗瘤作用,其机制与调控

Table 3BML-111 promotes aerobic oxidation in H22 cells			
组别	葡萄糖含量(μmol/10 ⁵ 细胞)	乳酸含量(μmol/10 ⁵ 细胞)	
Group	Glucose content (µmol/10 ⁵ cells)	Lactic acid content (µmol/10 ⁵ cells)	
CON	18.32±0.646	25.78±1.521	
BML-111	14.57±0.541**	21.45±0.751**	
BOC-2	17.70±0.473 ^{##}	25.53±0.774 ^{##}	

表3 BML-111促进H22细胞有氧氧化 ble 3 BML-111 promotes aerobic oxidation in H22 cel

**P<0.01,与CON组相比;##P<0.01,与BML-111组相比。

**P<0.01 compared with CON group; ^{##}P<0.01 compared with BML-111 group.



A:各组中葡萄糖含量; B:各组中乳酸含量。**P<0.01, #P<0.01, n=6。

A: glucose content in each group; B: lactic acid content in each group. **P < 0.01, #P < 0.01, n=6.







图6 BML-111促进肿瘤组织中PTEN的mRNA表达 Fig.6 BML-111 promotes PTEN mRNA expression in tumor tissues

Gln代谢相关。GWANGWA等^[20]将乳腺癌细胞(MCF-7、MDA-MB-231、MCF-10A)与未添加Gln的培养液 共培养24、48、72 h; 流式细胞仪分析显示, 在96 h 后,随着谷氨酸浓度的升高, 肿瘤细胞的凋亡率逐渐 升高, 说明缺乏Gln能够促进肿瘤细胞的凋亡。研究 表明GLS1在肺癌中的低表达可以显著促进肿瘤的 生长, 而过高浓度的GLS2则可以有效地抑制肿瘤的 生长,提示GLS2具有潜在的肿瘤抑制功能^[21]。最新研究表明,GLS2具有抗肿瘤作用,可通过下调Ras相关C3肉毒杆菌毒素底物1(Ras-related C3 botulinum toxin substrate 1, RAC1)的活性,进而抑制HCC的侵袭转移^[22]。

己有多项临床试验证实,LXs类似物BML-111 能抑制肿瘤细胞增殖,下调H22荷瘤小鼠肿瘤组织



A: Western blot法检测肿瘤组织中PTEN蛋白表达情况; B: PTEN蛋白的半定量F分析。**P<0.01, #P<0.01, n=6。

A: Western blot was used to detect the expression of PTEN protein in tumor tissues; B: semi-quantitative *F*-analysis of PTEN protein. **P < 0.01, $\frac{##}{P} < 0.01$, n=6.



Table 4	BML-III promotes PTEN protein expression in tumor tissues
组别	DTEN
Group	FILIN
CON	1.23±0.22
BML-111	1.78±0.31**
BOC-2	1.34±0.26##

表4 BML-111促进肿瘤组织中PTEN的蛋白表达

**P<0.01,与CON组相比;##P<0.01,与BML-111组相比。

**P<0.01 compared with CON group; ##P<0.01 compared with BML-111 group.

内谷氨酰胺含量^[23],本实验结果与该研究结果一 致。有研究表明LXs及其脂氧素受体激动剂BML-111通过干扰内皮细胞生长,抑制肿瘤侵袭^[24]。LXs 与脂氧素A4受体(lipoxin A4 receptor, ALXR)相结合 后,可对炎症微环境进行重塑,从而进一步导致缺氧 诱导因子1(hypoxia-inducible factor 1, HIF-1)水平下 调,产生对癌细胞PC3增殖及转移的抑制作用,其主 要机制可能与下调JNK通路并影响炎症介质表达有 关^[25-26]。氧化应激反应与炎症的发生存在密切关联, 在肿瘤生长过程中的多步骤中均发挥着重要影响作 用,且抗炎过程可对氧化应激反应产生相应抑制作 用^[25]。LXs作为内源性的抗炎介质,通过促进Nrf2的 核转位,抑制肿瘤细胞内抗炎抗氧化酶活性,干扰肿 瘤组织的生长^[23]。

新近研究表明,糖酵解增强现象存在各种不同 组织来源的肿瘤细胞中,而且这种代谢方式的改变 在肿瘤中很常见^[27]。为了评价LX类似物BML-111 的作用效果,我们检测了肝癌细胞在脂氧素受体激 动剂BML-111干预24 h、48 h、72 h后的细胞活力。 在本研究中对照组肝癌细胞活力、糖酵解水平以及 细胞中乳酸、谷氨酰胺含量、ATP含量明显增加。 脂氧素受体激动剂BML-111能降低癌细胞活力,尤 其在24h对抑制癌细胞增殖效果最显著。细胞糖酵 解水平直接影响乳酸、谷氨酰胺、ATP含量。脂氧 素受体激动剂BML-111干扰了肝癌细胞能量代谢以 及能量代谢产物(乳酸、谷氨酰胺)的产生,造成肿瘤 微环境的变化,抑制肿瘤细胞生长。上述研究结果, 与前期研究发现的结肠癌细胞中葡萄糖-6-磷酸脱氢 酶(glucose-6-phosphate dehydrogenase, *G6PD*) mRNA 相对表达水平显著升高,而且该癌细胞增殖的情况 与多胺代谢酶活性高低有关系^[28-29]的结论相一致。

PTEN是1997年首次发现的基因,它具备蛋白和 脂质磷酸酶的双重功能,定位于10号染色体的q23.3 区域,通过去磷酸化参与细胞调控。PTEN基因的激 活能够反向调节PI3K/AKT以及FAK/ERK信号路径, 从而抑制肝星状细胞(hepatic stellate cell, HSC)的活 化,降低其生存能力,导致细胞周期在G₀/G₁和G₂/M 阶段停滞,进而抑制HSC的增殖并促进其凋亡^[30]。 为进一步探索LX类似物BML-111对肝癌作用的机 制,本研究通过qRT-PCR、蛋白印迹法检测PTEN的 表达情况。结果显示,对照组中肿瘤组织PTEN表达 水平明显较低,BML-111可促进肿瘤组织中PTEN的 mRNA、蛋白表达。有研究证明PTEN的活性丧失 与乳腺癌、前列腺癌及胆囊癌等多种原发性及转移 性恶性肿瘤有关^[31-33]。PTEN可调节PI3K依赖途径 和其他独立途径来调控代谢转换,并负性调节肿瘤 细胞的糖酵解和谷氨酰胺分解过程^[34]。部分学术成 果显示,PTEN功能的降低与多种恶性疾病,包括乳 腺癌、前列腺癌以及胆囊癌等原发和转移性肿瘤的 发生有着密切联系^[31-33]。PTEN能够通过PI3K相关 途径以及其他独立路径对细胞代谢的转变进行调 节,同时PTEN水平的提升对肿瘤细胞的糖酵解作用 和谷氨酰胺的代谢过程起到抑制作用^[34]。

CHEN等^[35]在相关报道中指出,作为重要的肿 瘤抑制基因, *PTEN*活性变化同乳腺肿瘤、前列腺癌 等发生发展及转移均具有密切关联,其活性降低可 造成PI3K/AKT信号通路过度激活,从而导致细胞增 殖失控,肿瘤发生及转移风险进一步增加。研究还 发现, PTEN通过调节PI3K相关途径以及其他独立路 径来影响代谢转换,同时它还能负向调节肿瘤细胞 的糖酵解和谷氨酰胺代谢过程^[36-37]。

本次通过基础实验研究证实了BML-111对H22 肿瘤细胞增殖具有一定抑制,同时也论证了LXs激 动剂BML-111对H22小鼠肿瘤细胞能量代谢、PTEN 表达水平的影响,旨在为肝细胞癌的后续治疗提供 借鉴。在经脂氧素受体激动剂BML-111干预后,肝 癌细胞葡萄糖含量逐渐降低,细胞中乳酸、ATP、 谷氨酰胺含量均明显减少,同时肿瘤细胞活力降 低。BML-111可显著抑制H22细胞在小鼠体内的生 长,猜测其可能是通过上调PTEN的表达而抑制肿瘤 细胞生长的,但其具体机制尚待商榷。实验结果表 明BML-111通过干扰肿瘤细胞的能量代谢,抑制肿 瘤细胞的增殖,PTEN的表达水平也受到BML-111的 影响,同时PTEN与肝癌的发生发展存在关联。然而 PETN调控肝癌细胞能量代谢与增殖的具体机制还 未进行深入研究,需要实验进一步验证。

参考文献 (References)

- REBECCA L S, KIMBERLY D M, AHMEDIN J. Cancer statistics, 2020 [J]. CA Cancer J Clin, 2020, 70(1): 7-30.
- [2] FREDDIE B, JACQUES F, ISABELLE S, et al. Global cancer statistics 2018: GLOBOCAN estimates of incidence and mortality worldwide for 36 cancers in 185 countries [J]. CA Cancer J Clin, 2018, 68(6): 394-424.
- [3] GONZALEZ B, MAAYEH M, KNISS D, et al. Low-dose aspirin increases 15-epi-lipoxins A4 in pregnancies at high-risk for

developing preeclampsia [J]. Pregnancy Hypertens, 2021, 26(6): 75-8.

- [4] CEKICI A, SAHINKAYA S, DONMEZ M F, et al. Sirtuin6 and Lipoxin A4 levels are decreased in severe periodontitis [J]. Clin Oral Investig, 2023, 27(12): 7407-15.
- [5] XU F, ZHOU X, HAO H, et al. Lipoxin A4 and its analog suppress hepatocarcinoma cell epithelial-mesenchymal transition, migration and metastasis via regulating integrin-linked kinase axis [J]. Prostaglandins Other Lipid Mediat, 2018, 137: 9-19.
- [6] WARBURG O, POSENER K, NEGELEIN E. On the metabolism of carcinoma cells [J]. Biochem Z, 1924, 152: 309-44.
- [7] HN X, WANG D, YANG L, et al. Activation of polyamine catabolism promotes glutamine metabolism and creates a targetable vulnerability in lung cancer [J]. Proc Natl Acad Sci USA, 2024, 121(13): e2319429121.
- [8] JARAZO J, BARMPA K, MODAMIO J, et al. Parkinson's disease phenotypes in patient neuronal cultures and brain organoids improved by 2-hydroxypropyl-β-cyclodextrin treatment [J]. Mov Disord, 2022, 37(1): 80-94.
- [9] LEE Y R, CHEN M. The functions and regulation of the PTEN tumour suppressor: new modes and prospects [J]. Nat Rev Mol Cell Biol, 2018, 19(9): 547-62.
- [10] 沈艳,毛建华,王华枫,等. 砷剂对吉非替尼耐药非小细胞肺 癌小鼠皮下肿瘤的作用[J]. 畜牧与兽医(SHEN Y, MAO J H, WANG H F, et al. Effects of arsenic on the gefitinib-resistant non-small cell lung cancer in nude mice [J]. Animal Husbandry & Veterinary Medicine), 2022, 54(10): 65-73.
- [11] PEH H Y, NSHIMIYIMANA R, SERHAN C N, et al. 15-epilipoxin A5 promotes neutrophil exit from exudates for clearance by splenic macrophages [J]. FASEB J, 2024, 38(14): e23807.
- [12] PINERO F, DIRCHWOLF M, PESSOA M G. Biomarkers in hepatocellular carcinoma: diagnosis, prognosis and treatment response assessment [J]. Cells, 2020, 9(6): 1-27.
- [13] LI J J, LIANG Q, SUN G C. Traditional Chinese medicine for prevention and treatment of hepatocellular carcinoma: a focus on epithelial-mesenchymal transition [J]. J Integr Med, 2021, 19(6): 469-77.
- [14] BOIX M P, SORIANO T P M, ARMINN A, et al. The past, present, and future of breast cancer models for nanomedicine development [J]. Adv Drug Deliv Rev, 2021, 173: 306-30.
- [15] BRAGAZZI M C, VENERE R, RIBICHINI E, et al. Intrahepatic cholangiocarcinoma: evolving strategies in management and treatment [J]. Dig Liver Dis, 2024, 56(3): 383-93.
- [16] QUIRICO L, ORSO F, CUCINELLI S, et al. miRNA-guided reprogramming of glucose and glutamine metabolism and its impact on cell adhesion/migration during solid tumor progression [J]. Cell Mol Life Sci, 2022, 79(4): 216.
- [17] ZHEN Y, LIU K, SHI L, et al. FGFR inhibition blocks NF-κBdependent glucose metabolism and confers metabolic vulnerabilities in cholangiocarcinoma [J]. Nat Commun, 2024, 15(1): 3805.
- [18] LI X, LIU M, LIU H, et al. Tumor metabolic reprogramming in lung cancer progression [J]. Oncol Lett, 2022, 24(2): 287.
- [19] GRINDE M T, HILMARSDOTTIR B, TUNSET H M, et al. Glutamine to proline conversion is associated with response to glutaminase inhibition in breast cancer [J]. Breast Cancer Res, 2019, 21(1): 61.

- [20] GWANGWA M V, JOUBERT A M, VISAGIE M H. Effects of glutamine deprivation on oxidative stress and cell survival in breast cell lines [J]. Biol Res, 2019, 52(1): 15.
- [21] GAO C C, XU Q Q, XIAO F J, et al. NUDT21 suppresses the growth of small cell lung cancer by modulating GLS1 splicing [J]. Biochem Biophys Res Commun, 2020, 526(2): 431-8.
- [22] XI J, SUN Y, ZHANG M, et al. GLS1 promotes proliferation in hepatocellular carcinoma cells via AKT/GSK3β/CyclinD1 pathway [J]. Exp Cell Res, 2019, 381(1): 1-9.
- [23] LI Y, FAN W, LINK F, et al. Transforming growth factor β latency: a mechanism of cytokine storage and signalling regulation in liver homeostasis and disease [J]. JHEP Rep, 2021, 4(2): 100397.
- [24] VIEIRA A M, NEETO E H, FIGUEIREDO C C, et al. ATL-1a synthetic analog of lipoxinmodulates endothelialp ermeability and interaction with tumor cells through a VEGF-dependent mechanism [J]. Biochem Pharmacol, 2014, 90(4): 388-96.
- [25] SUCHITHA G P, DEVASAHAYAM A, PRASAD T S K, et al. A signaling network map of Lipoxin (LXA4): an anti-inflammatory molecule [J]. Inflamm Res, 2024, 73(7): 1099-106.
- [26] LI X Y, WANG S L, CHEN D H, et al. Construction and validation of a m7G-related gene-based prognostic model for gastric cancer [J]. Front Oncol, 2022, 12: 861412.
- [27] ANDO R, SHIRAKI Y, ENOMOTO A, et al. Meflin is a marker of pancreatic stellate cells involved in fibrosis and epithelial regeneration in the pancreas [J]. J Pathol, 2024, 262(1): 61-75.
- [28] KRISHNA P S, NAIR P S, SURISHKUMAR G K, et al. Shear stress and microRNAs for better metastatic cancer management [J]. Biotechnol Prog, 2024, 40(1): e3396.
- [29] DU H, WU H, KANG Q, et al. Polyphyllin I attenuates the invasion and metastasis via downregulating GRP78 in drug-resistant

hepatocellular carcinoma cells [J]. Aging, 2023, 15(21): 12251-63.

- [30] LI J, YEN C, LIAW D, et al. PTEN, a putative protein tyrosinephosphatase gene mutated in human brain, breast, and prostate cancer [J]. Science, 1997, 275(5308): 1943-7.
- [31] KECHAGIOGLOU P, PAPI R M, PROVATOPOULOU X, et al. Tumor suppressor PTEN in breast cancer: heterozygosity, mutations and protein expression [J]. Anticancer Res, 2014, 34(3): 1387-400.
- [32] WISE H M, HERMIDA M A. Prostate cancer, PI3K, PTEN and prognosis [J]. Clin Sci, 2017, 131(3): 197-210.
- [33] ROA I, GONZALO D T, FERNANDEZ F, et al. Inactivation of tumor suppressor gene pten in early and advanced gallbladder cancer [J]. Diagn Pathol, 2015, 10: 148.
- [34] GARCIA C I, SONG M S, HOBBSRM, et al. Systemic elevation of PTEN induces a tumo-suppressive metabolic state [J].Cell, 2012, 149(1): 49-62.
- [35] CHEN L. The functions of tumor suppressor PTEN in innate and adaptive immunity [J]. Cell Mol Immunol, 2017, 14(7): 581-9.
- [36] 杨建林,田家俊,张浩,等.新型精胺氧化酶抑制剂SI-4650对人 卵巢癌SKVO-3细胞增殖和上皮细胞间质化的影响[J].中国应 用生理学杂志(YANG J L, TIAN J J, ZHANG H, et al. Effects of a novel spermine oxidase inhibitor SI-4650 on proliferation and EMT of human ovarian cancer SKVO-3 cells [J]. Chin J Appl Physiol), 2022, 38(2): 175-80,192.
- [37] CHAUDAGAR K, HIEROMNIMON H M, PATNAIK A, et al. Reversal of lactate and PD-1-mediated macrophage immunosuppression controls growth of PTEN/p53-deficient prostate cancer [J]. Clin Cancer Res, 2023, 29(10): 1952-68.