技术与方法

新型冠状病毒假病毒制备方法的优化及应用

黄楠 郎巧利 李莉萍 杨希* (重庆市畜牧科学院,重庆402460)

摘要 该文旨在建立一种稳定高效的新型冠状病毒(SARS-CoV-2)假病毒构建方法,并将 所制备的假病毒用于评估抗体中和水平。通过比较不同穿梭质粒、质粒配比以及转染试剂对假 病毒滴度的影响,优化制备高滴度假病毒的条件;通过制备不同的SARS-CoV-2突变株假病毒,测 试该方法的稳定性;利用所制备的假病毒对SARS-CoV-2抗体的中和能力进行评价,测试该方法 的可靠性。优化结果表明,当使用Lipofectamine[™] 3000作为转染试剂时,pCDH-CMV-MCS-EF1copGFP:psPAX2:pcDNA3.1-S以0.300 µg:0.225 µg:0.240 µg的质量比转染获得的假病毒滴度最高。 进一步,发现利用该方法包装的三种突变株的假病毒均可达到较高滴度。利用该方法制备的假病 毒可以用于SARS-CoV-2抗体的中和活性检测,测得IC₅₀值为0.126 µg/mL。该研究成功建立了一种 简单高效的制备新型冠状病毒(SARS-CoV-2)假病毒的方法,其可用于体外评估SARS-CoV-2抗体中 和活性,为研发SARS-CoV-2相关疫苗和药物的体外评价提供了技术基础。

关键词 假病毒;中和抗体;新型冠状病毒

Optimization and Application of SARS-CoV-2 Pseudovirus Production System

HUANG Nan, LANG Qiaoli, LI Liping, YANG Xi* (Chongqing Academy of Animal Sciences, Chongqing 402460, China)

Abstract The aim of this study was to establish an efficient and stable SARS-CoV-2 pseudovirus production system to evaluate the neutralizing ability of antibodies to SARS-CoV-2 *in vitro*. To produce high-titer pseudovirus, transfer plasmid types, the proportion of transfected plasmid and transfection methods were investigated in this study. The optimization results showed that the highest pseudovirus titer was obtained when 293T cells were transfected with the plasmids pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP, psPAX2 and pcDNA3.1-S at a mass radio of 0.300 μ g:0.225 μ g:0.240 μ g using Lipo-fectamineTM 3000. Moreover, this optimized pseudovirus production system was also applicable to other SARS-CoV-2 variants, and three kinds of high-titer SARS-CoV-2 variants pseudoviruses were generated. Furthermore, pseudovirus neutralization assay was performed using the pseudovirus obtained in this study to test neutralizing activity of a reported antibody, and the IC₅₀ value was 0.126 μ g/mL. In summary, this study successfully established a simple and efficient method to generate high-titer SARS-CoV-2 pseudovirus, which could be used to evaluate the neutralizing activity of SARS-CoV-2

收稿日期: 2022-10-26 接受日期: 2023-02-22

重庆市自然科学基金面上项目(批准号: cstc2020jcyj-msxmX0776)、重庆市科研机构绩效激励引导专项[批准号: cstc2021jxjl0017(21224)、cstc2021jxjl80009]和 畜禽养殖关键技术研究与示范推广项目(批准号: 21504、22513C、22503C)资助的课题

^{*}通讯作者。Tel: 15025383600, E-mail: 406062197@qq.com

Received: October 26, 2022 Accepted: February 22, 2023

This work was supported by the General Project of Chongqing Natural Science Foundation (Grant No.cstc2020jcyj-msxmX0776), the Performance Incentive and Guidance Project for Scientific Research Institutions in Chongqing [Grant No.cstc2021jxjl0017(21224), cstc2021jxjl80009], and the Research and Demonstration of Key Technologies in Livestock and Poultry Breeding (Grant No.21504, 22513C, 22503C)

^{*}Corresponding author. Tel: +86-15025383600, E-mail: 406062197@qq.com

antibodies in vitro. This study provided a good foundation for the research of SARS-CoV-2 vaccines and drugs.

Keywords pseudovirus; neutralizing antibodies; SARS-CoV-2

新型冠状病毒(severacute respiratory syndrome coronavirus 2, SARS-CoV-2)是2019年底爆发的一种新 的冠状病毒,导致新型冠状病毒肺炎(coronavirus disease 2019, COVID19)大流行。该病毒自爆发以来已 发生多次重大抗原表位突变,其突变株被命名为Alpha, Belta, Gamma, Delta, Lammda, Omicron^[1-3]. SARS-CoV-2具有高频突变和快速传播的特性,给相 关疫苗和药物的研发带来了极大的挑战。假病毒是 利用生物风险等级较低的病毒如缺陷型HIV(human immunodeficiency virus), VSV(vesicular stomatitis virus)或MLV(murine leukemia virus)表达待研究高危病 毒的包膜蛋白或模拟活病毒感染过程[4]。目前假病毒 模型已被应用于多种高致病性病毒如高致病性禽流 感病毒^[5]、SARS-CoV^[6]、中东呼吸综合征冠状病毒 (Middle East respiratory syndrome coronavirus, MERS-CoV)^[7]等的研究当中。已有研究表明, 基于 SARS-CoV-2假病毒的抗体中和检测结果与活病毒检测结果 具有良好的相关性^[8-9]。因此, 假病毒无疑是可替代 高致病性活病毒进行病毒感染相关机制研究和疫苗、 抗体、小分子药物临床前效果评价的有效工具。

HIV系统和VSV系统在SARS-CoV-2的研究中 应用十分广泛,二者各有特点。NIE等^[10]、ALMAH-BOUB等^[11]先后展示了利用VSV系统构建和优化 SARS-CoV-2假病毒并进行中和测定的方法。VSV 系统在病毒产量和安全性上相对于HIV系统具有一 定优势,但其包装步骤操作较繁琐,且可能残留VSV-ΔG/G*的背景, 需要适量使用针对G蛋白的抗体进行 降噪^[12-13]。HIV系统相较于VSV系统在SARS-CoV-2 的研究中应用更为广泛,其包装过程简单,能够在靶 细胞中表达较长基因或多顺反子基因^[14]。CRAW-FORD等^[15]的研究详细描述了两种带有不同报告基 因的HIV系统包装SARS-CoV-2假病毒的方法,并将所 构建的假病毒应用于抗体中和水平的测定; MA等[16] 利用HIV系统构建的Dio和mCherry双色SARS-CoV-2 实现了通过单个假病毒追踪SARS-CoV-2入侵人呼吸 道上皮的过程,而VSV-G假病毒不能区分不同细胞的 血管紧张素转换酶2(angiotensin converting enzyme 2, ACE2)受体水平。OU等^[17]利用HIV系统构建的假病 毒来确定 SARS-CoV-2易感的细胞类型、病毒受体及

其进入细胞的途径。CHEN等^[13]的综述中提到使用2 质粒系统包装SARS-CoV-2假病毒的应用居多,然而2 质粒系统在安全性上存在一定风险。相比于2质粒包 装系统,3质粒包装系统的安全性更高。HIV 3质粒包 装系统通常由表达gag和pol蛋白的辅助质粒,含有报 告基因、顺式调节元件的穿梭质粒和表达目的蛋白 的包膜质粒组成,可减少因同源重组而产生具有复制 能力的重组体的机会^[18-21]。

为了建立一种稳定高效的SARS-CoV-2假病毒 构建方法,本研究对3质粒包装系统进行了摸索,成 功建立了一种简单高效的制备SARS-CoV-2假病毒 的方法,其可用于体外评估SARS-CoV-2抗体中和活 性,为研发SARS-CoV-2相关疫苗和药物的体外评价 提供了技术基础。

1 材料与方法

1.1 材料

1.1.1 质粒和细胞 慢病毒包装质粒pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP、pLentipuro3-TO-V5-GW-EGFP-Firefly Luciferase、pWPXL-EF1-EGFP、psPAX2均购自上海海吉浩格生物科技有限公司; pCMV3-SARS-CoV-2-Spike(B.1.1.7、B.1.617.2、B.1.1.529)购自北京义翘神州科技股份有限公司; 293T细胞购自武汉普诺赛生命科技有限公司; Escherichia coli DH5α感受态细胞购自TaKaRa公司; 293T-ACE2细胞系由本实验室构建。

1.1.2 主要试剂 DMEM培养基购自武汉普诺 赛生命科技有限公司;青/链霉素购自Gibco公司; 胎牛血清购自Biological Industries公司;潮霉素 B(hygromycin B)购自北京索莱宝科技有限公司; DMSO购自Sigma-Aldrich公司;EZ Trans细胞转染 试剂购自上海李记生物科技有限公司;PrimeSTAR[®] Max DNA Polymerase、In-Fusion[®] HD Cloning Kit购 自TaKaRa公司;质粒提取试剂盒购自MN公司;*Hind* III、*Xho* I、Lipofectamine[™] 3000购自ThermoFisher 公司;11-2G新冠抗体^[22]由本实验室研制。

1.2 方法

1.2.1 SARS-CoV-2 S蛋白表达质粒 pcDNA3.1-S的获得
以pCMV3-SARS-CoV-2-Spike质粒为模板,
利用设计的引物进行 PCR获得 S-19del基因,反应程

序:98°C预变性30s;98°C变性10s,55°C退火5s, 72°C延伸1min,共35个循环;72°C延伸5min。对 PCR产物进行胶回收后,将S蛋白DNA片段无缝连接 至pcDNA3.1载体上从而获得pcDNA3.1-S表达质粒 (突变株B.1.1.7、B.1.617.2、B.1.1.529的表达质粒均 由此方法获得)。所构建的表达质粒经*Hind*III、*Xho* I酶切鉴定并测序后用于慢病毒包装。

1.2.2 流式分析 将生长状态良好的 293T细胞以 1.2×10⁶个/孔的密度接种于 24孔板并培养过夜,转染 前6 h将 293T细胞培养基换成无血清培养基, 6 h后,将 1.2 μg pcDNA3.1-S瞬时转染至 293T细胞中。转染48 h 后,在 37 °C条件下用 0.05%胰蛋白酶消化并收集 293T 细胞,1000 r/min室温离心5 min,以5×10⁵个/200 μL管的 量将 293T细胞重悬于流式管中,PBS洗涤1次后加入抗 体11-2G(工作浓度为4 μg/mL),4 °C孵育1 h,PBS洗涤2 次后加入羊抗人 IgG(H+L) Goat anti-Human IgG(H+L) Cross-Adsorbed Secondary Antibody, FITC(1:500), 4 °C 孵育 30 min, PBS洗涤 2次后利用流式分析仪对 SARS-CoV-2 S蛋白在 293T细胞表面的表达情况进行检测。

1.2.3 假病毒制备及条件优化 不同穿梭质粒的比 较:将生长状态良好的293T细胞以2.4×10⁵个/孔的密度 接种于24孔板并培养过夜,转染前6h将293T细胞培养 基换成无血清培养基,37 ℃孵育6h后,进行假病毒的 包装,选取三种常用的带有GFP(green fluorescent protein)荧光的穿梭质粒pWPXL-EF1-EGFP、pLenti-puro3-TO-V5-GW-EGFP-Firefly Luciferase、pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP进行比较,辅助质粒为psPAX2,包膜 质粒为pcDNA3.1-S。质粒混合液37 ℃孵育16h后,更 换含10% FBS的DMEM完全培养基,48h后收集细胞 上清,2000 r/min室温离心10 min,收集上清,用假病毒 感染293T-ACE2,使用荧光显微镜DMi8记录GFP荧光, ImageJ软件统计假病毒感染的GFP阳性细胞的数量, 确认感染滴度。

假病毒包装3质粒比例的优化:将生长状态良好 293T细胞以2.4×10⁵个/孔的密度接种于24孔板并培养 过夜,转染前6h将293T细胞培养基换成无血清培养 基,6h后,进行假病毒的包装,转染试剂为EZ Trans,质 粒转染比例如表1所示。将质粒和转染试剂的混合液 加入细胞后37 ℃解育16h,更换含10% FBS的DMEM 完全培养基,48h后收集细胞上清,2000 r/min室温离 心10 min,收集上清,用假病毒感染293T-ACE2,使用 荧光显微镜DMi8记录GFP荧光,ImageJ软件统计假病 毒感染的GFP阳性细胞的数量,确认感染滴度。

假病毒包装转染试剂的优化:将生长状态良好的 293T细胞以2.4×10⁵个/孔的密度接种于24孔板并培养 过夜,转染前6h将293T细胞培养基换成无血清培养基, 6h后,使用最优的质粒转染比例,用两种常用的转染 试剂: EZ Trans和Lipofectamine™ 3000在相同质粒比的 条件下进行假病毒的包装, 质粒混合液 37 ℃孵育16 h 后,更换含10% FBS的DMEM完全培养基,48 h后收集 细胞上清,2000 r/min室温离心10 min,收集上清,用假 病毒感染293T-ACE2,使用荧光显微镜DMi8记录GFP 荧光, ImageJ软件统计假病毒感染的GFP阳性细胞的数 量,测定感染滴度。不同突变株的假病毒包装:将生长 状态良好的293T细胞以2.4×105个/孔的密度接种于24 孔板并培养过夜,转染前6h将293T细胞培养基换成无 血清培养基,6h后,使用最优的质粒转染比例,以Lipofectamine[™] 3000为转染试剂对突变株B.1.17、B.1.617.2、 B.1.1.529进行假病毒包装,质粒混合液37℃孵育16h后, 更换含10% FBS的DMEM完全培养基, 48 h后收集细胞 上清,2000 r/min室温离心10 min,收集上清,用假病毒 感染293T-ACE2,使用荧光显微镜DMi8记录GFP荧光, ImageJ软件统计假病毒感染的GFP阳性细胞的数量,测 定感染滴度。

1.2.4 假病毒在新型冠状病毒中和抗体药物检测中的应用 将11-2G抗体从100 μg/mL进行10倍梯度稀

The proportion of plasmids in pseudovirus packaging system			
组别	穿梭质粒(pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP)	辅助质粒(psPAX2)	包膜质粒(pcDNA3.1-S)
Group	Transfer plasmid	Packing plasmid	Envelope plasmid
	(pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP)	(psPAX2)	(pcDNA3.1-S)
1	0.300 µg	0.225 μg	0.100 µg
2	0.300 µg	0.225 µg	0.240 µg
3	0.300 µg	0.225 μg	0.300 µg
4	0.350 µg	0.175 μg	0.240 µg
5	0.420 μg	0.105 µg	0.240 µg

表1 假病毒包装系统的质粒配比

释,加入96孔板,每孔终体积为50 μL。细胞对照孔和 病毒对照孔不参与倍比稀释。取20 μL假病毒加至抗 体稀释液中混匀,37 °C孵育1 h后,将生长状态良好的 293T-ACE2细胞按2×10⁴个/30 μL孔铺至96孔板,孔内液 体总体积为100 μL,37 °C孵育16 h后,更换含10% FBS 的DMEM完全培养基,37 °C培养48 h后,通过荧光显微 镜DMi8记录GFP荧光,ImageJ软件统计假病毒感染的 GFP阳性细胞的数量,用于评估抗体中和活性。假病 毒中和百分率的计算公式:假病毒中和百分率=(TU_{假病} _{毒对照孔}-TU_{实验孔})/(TU_{假病毒对照孔}-TU_{细胞对照孔})×100%。

1.2.5 统计学分析 采用GraphPad Prim6对抗体 中和水平进行分析,并计算抗体的半数抑制率(half maximal inhibitory, IC₅₀)。

2 结果

2.1 SARS-CoV-2 S蛋白表达情况分析

为获得pcDNA3.1-S重组表达质粒并确认其表达情况,本实验以pCMV3-SARS-CoV-2-Spike质粒为模板,利用设计的引物进行PCR获得S蛋白DNA序列(不包含最后19个氨基酸),将该序列无缝连接至pcDNA3.1载体上,提取质粒后通过*Hind* III、*Xho* I 酶切鉴定获得大小分别为5 354 bp和3 774 bp的两个条带(图1A), pcDNA3.1-S重组表达质粒经北京擎科生物有限公司测序确认正确后,瞬时转染至293T细胞。293T细胞在转染48 h后,用流式分析确认其表

面能够表达SARS-CoV-2S蛋白(图1B)。

2.2 假病毒制备条件优化

2.2.1 假病毒穿核质粒的优化 为了探索3质粒包 装系统中最佳的穿梭质粒,本研究以psPAX2为辅助 质粒,pcDNA3.1-S为包膜质粒,选取了三种假病毒 穿梭质粒(分别命名为pWPXL-EF1-EGFP、pLentipuro3-TO-V5-GW-EGFP-Firefly Luciferase、pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP)进行比较。在相同的EZ Trans转染条件下,发现穿梭质粒为pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP时的荧光强度最高(图2)。

2.2.2 假病毒包装质粒比例的优化 为了获得更高的病毒滴度,本研究进一步对psPAX2(辅助质粒)、pcDNA3.1-S(包膜质粒)、pCDH-CMV-MCS-EF1-copGFP(穿梭质粒)的比例进行了摸索。在相同的EZ Trans转染条件下,如图3中实验组2所示,当穿梭质粒和辅助质粒的比例为0.300 μg:0.225 μg(即4:3),包膜质粒pcDNA3.1-S为0.240 μg时,所包装的假病毒滴度最高,TU值为2×10⁵ TU/mL。如图3中实验组5所示,当包膜质粒pcDNA3.1-S为0.240 μg时,改变穿梭质粒和辅助质粒用量后,荧光强度均有所下降。

2.2.3 转染试剂的优化 为了进一步提高假病毒 滴度,我们尝试了不同的转染方法。结果发现当使用 Lipofectamine[™] 3000作为转染试剂时可以获得高滴 度的假病毒(图4),其转染效率明显高于EZ Trans,所包



A: Hind III和Xho I双酶切鉴定重组质粒pcDNA3.1-S; B: 流式分析SARS-CoV-2 S蛋白在293T细胞表面的表达情况。 A: the graph of pcDNA3.1-S digested by Hind III and Xho I; B: flow cytometry analysis of S protein expression on 293T cell surface. 图1 SARS-CoV-2 S蛋白的表达分析

Fig.1 Expression analysis of SARS-CoV-2 S protein



图2 不同穿梭质粒对假病毒滴度的影响 Fig.2 The effect of different transfer plasmids on pseudovirus production titers



1~5为实验组别编号。

1-5 were the numbers of the experimental groups.

图3 不同质粒比例对假病毒滴度的影响





图4 不同转染试剂对假病毒滴度的影响

Fig.4 The effect of different transfection reagents on pseudovirus production titers



1 μL、10 μL、50 μL为假病毒在感染293T-ACE2时每孔的用量。

1 $\mu L,$ 10 $\mu L,$ and 50 μL were the amount per well of pseudovirus infected with 293T-ACE2.

图5 不同新冠突变株假病毒的获得





 10^{-4} ~ 10^{2} 为假病毒中和实验中的抗体使用浓度, 浓度单位为µg/mL。Control为病毒对照孔。 10^{-4} - 10^{2} were the antibody concentrations used in the pseudovirus neutralization experiment, and the concentration unit was µg/mL. Control is the virus control hole.

图6 假病毒检测SARS-CoV-2抗体的中和能力 Fig.6 Pseudovirus-based antibody neutralization assay

装的假病毒滴度达1×10° TU/mL,是EZ Trans的5倍。

2.3 不同突变株假病毒的包装

使用优化后的假病毒包装方法对SARS-CoV-2 的突变株Alpha、Delta、Omicron进行包装。结果表 明,利用该方法制备的三种假病毒均具有较高的滴 度(图5)。

2.4 假病毒在新型冠状病毒中和抗体检测中的应用

利用本研究建立的假病毒包装方法获得 SARS-CoV-2突变株B.1.1.7假病毒,并利用本实验室已构建的 293T-ACE2细胞系,对 SARS-CoV-2抗体 11-2G的 中和活性进行检测,结果显示,11-2G对所构建的假 病毒具有中和能力(图6), IC₅₀为0.126 μg/mL,与我们

已发表的真病毒检测结果具有一致性[22]。

3 讨论

截至2022年10月全球累计的新型冠状病毒肺炎 确诊人数达6.19亿(https://covid19.who.int/)。虽然多 款药物的临床数据利好,但能够有效治疗新型冠状 病毒肺炎的药物种类极少,Omicron突变株的出现更 是逃逸了现有的大部分抗体药物以及疫苗保护^[23], 对SARS-CoV-2相关疫苗和药物的研发带来了巨大 的挑战。

SARS-CoV-2假病毒作为SARS-CoV-2疫苗和 药物研发过程中的安全有效且快速的评估手段,在 病毒相关机制研究[24-25],治疗性抗体药物[26]和疫苗 的研发中起到了重要作用。本研究通过对HIV假病 毒包装条件的优化,建立了一个能够制备高滴度假 病毒的方法。目前研究已证实,在SARS-CoV-2假病 毒制备中去除S蛋白序列中胞质部分的19个氨基酸 能够促进假病毒的出芽[17],对利用基于假病毒进行 SARS-CoV-2病毒进入细胞机制的研究具有重要意 义^[27]。HU等^[28]在研究中比较了S蛋白全长、S蛋白 去掉KXHXX基序和去除S蛋白胞质部分19个氨基 酸三种条件下所包装的假病毒滴度,发现去除S蛋 白序列中胞质部分的19个氨基酸所包装获得的假病 毒滴度最高。根据以上研究结果,本研究均采用去 C-端19个氨基酸序列的S蛋白包膜质粒对假病毒进 行包装,所制备的假病毒的滴度与HU等^[28]的结果相 近。有研究表明,与GFP的三肽发色团构象位置不同, 超量绿色荧光蛋白(copepod green fluorescent protein, copGFP)采用的是顺式共面构象,这种构象被认为是 获得高荧光量子产率的先决条件[29]。因此,我们对 比了带有 copGFP和增强型绿色荧光蛋白 (enhanced green fluorescent protein, EGFP)的3个常用的穿梭质 粒,发现带有copGFP的穿梭质粒荧光强度明显高于 其他两种EGFP穿梭质粒,这一结果与LOW等^[30]的 研究结果相似,这种超亮绿色荧光蛋白为后续研究 带来了便利。

已发表的SARS-CoV-2假病毒3质粒包装系统中 质粒配比各有不同^[31-32]。本研究通过比较穿梭质粒种 类、包装系统质粒的用量以及不同转染试剂对SARS-CoV-2假病毒包装的影响,从而建立了一套简单高效 的SARS-CoV-2假病毒构建系统。本研究通过对质粒 比的优化,将包装所用的质粒总量降低为每1.2×10⁶个 293T细胞使用0.765 µg, 与已发表的相关研究[15,28]相 比大大降低了病毒包装所需使用的质粒量。而对于 转染试剂的比较发现, Lipofectamine™ 3000包装的假 病毒滴度达1×10⁶ TU/mL, 虽然高于EZ Trans, 但该试 剂的成本相对较高,而使用EZ Trans进行病毒包装,则 可能需要进行进一步的浓缩与纯化。此外,为验证这 一方案是否适用于多个突变株,我们比较了B.1.1.7、 B.1.617.2、B.1.1.529三种 SARS-CoV-2流行突变株假 病毒的包装情况。结果显示,经优化后的假病毒包装 系统适用于突变株B.1.1.7、B.1.617.2、B.1.1.529, 滴 度均可以达到1×10⁶ TU/mL(图5),这一滴度水平与已 有研究成果一致[33-34]。随后,我们将所包装的假病毒 (B.1.1.7)应用于SARS-CoV-2抗体的中和活性评价(图 6), 测得11-2G抗体对突变株B.1.1.7的半数抑制有效浓 度为0.126 μg/mL, 这一检测结果与我们已发表的真病 毒检测结果具有一致性[22]。这表明该体系制备的假 病毒可以用于体外评价中和抗体活性。

4 结论

综上所述,本研究以HIV 3质粒包装系统为基础,通过对假病毒的穿梭质粒、3质粒配比以及转染试剂的比较,成功建立了一种简单高效的制备 SARS-CoV-2假病毒的方法。该方法可用于制备 SARS-CoV-2假病毒,为体外评估SARS-CoV-2抗体 中和活性及研发SARS-CoV-2相关疫苗和药物提供 了技术基础。

参考文献 (References)

- HU B, GUO H, ZHOU P, et al. Characteristics of SARS-CoV-2 and COVID-19 [J]. Nat Rev Microbiol, 2021, 19(3): 141-54.
- [2] JACKSON C B, FARZAN M, CHEN B, et al. Mechanisms of SARS-CoV-2 entry into cells [J]. Nat Rev Mol Cell Biol, 2022, 23(1): 3-20.
- [3] MEO S A, MEO A S, AL-JASSIR F F, et al. Omicron SARS-CoV-2 new variant: global prevalence and biological and clinical characteristics [J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2021, 25(24): 8012-8.
- [4] LI Q, LIU Q, HUANG W, et al. Current status on the development of pseudoviruses for enveloped viruses [J]. Rev Med Virol, 2018, 28(1): e1963.
- [5] LU Y, JIANG T. Pseudovirus-based neuraminidase inhibition assays reveal potential H5N1 drug-resistant mutations [J]. Protein Cell, 2013, 4(5): 356-63.
- [6] ZHUANG M, JIANG H, SUZUKI Y, et al. Procyanidins and butanol extract of Cinnamomi Cortex inhibit SARS-CoV infection [J]. Antiviral Res, 2009, 82(1): 73-81.
- [7] SHEN L, NIU J, WANG C, et al. High-throughput screening and

identification of potent broad-spectrum inhibitors of coronaviruses [J]. J Virol, 2019, 93(12): e00023-19.

- [8] LEGROS V, DENOLLY S, VOGRIG M, et al. A longitudinal study of SARS-CoV-2-infected patients reveals a high correlation between neutralizing antibodies and COVID-19 severity [J]. Cell Mol Immunol, 2021, 18(2): 318-27.
- [9] HYSENI I, MOLESTI E, BENINCASA L, et al. Characterisation of SARS-CoV-2 lentiviral pseudotypes and correlation between pseudotype-based neutralisation assays and live virus-based micro neutralisation assays [J]. Viruses, 2020, 12(9): 1011.
- [10] NIE J, LI Q, WU J, et al. Establishment and validation of a pseudovirus neutralization assay for SARS-CoV-2 [J]. Emerg Microbes Infect, 2020, 9(1): 680-6.
- [11] ALMAHBOUB S A, ALGAISSI A, ALFALEH M A, et al. Evaluation of neutralizing antibodies against highly pathogenic coronaviruses: a setailed protocol for a rapid evaluation of neutralizing antibodies using vesicular stomatitis virus pseudovirusbased assay [J]. Front Microbiol, 2020, 11: 2020.
- [12] XIONG H L, WU Y T, CAO J L, et al. Robust neutralization assay based on SARS-CoV-2 S-protein-bearing vesicular stomatitis virus (VSV) pseudovirus and ACE2-overexpressing BHK21 cells [J]. Emerg Microbes Infect, 2020, 9(1): 2105-13.
- [13] CHEN M, ZHANG X E. Construction and applications of SARS-CoV-2 pseudoviruses: a mini review [J]. Int J Biol Sci, 2021, 17(6): 1574-80.
- [14] MOON J, JUNG Y, MOON S, et al. Production and characterization of lentivirus vector-based SARS-CoV-2 pseudoviruses with dual reporters: evaluation of anti-SARS-CoV-2 viral effect of Korean Red Ginseng [J]. J Ginseng Res, 2023, 47(1): 123-32.
- [15] CRAWFORD K H D, EGUIA R, DINGENS A S, et al. Protocol and reagents for pseudotyping lentiviral particles with SARS-CoV-2 spike protein for neutralization assays [J]. Viruses, 2020, 12(5): 513.
- [16] MA Y, MAO G, WU G, et al. Dual-fluorescence labeling pseudovirus for real-time imaging of single SARS-CoV-2 entry in respiratory epithelial cells [J]. ACS Appl Mater Interfaces, 2021, 13(21): 24477-86.
- [17] OU X, LIU Y, LEI X, et al. Characterization of spike glycoprotein of SARS-CoV-2 on virus entry and its immune crossreactivity with SARS-CoV [J]. Nat Commun, 2020, 11(1): 1620.
- [18] AO Z, PATEL A, TRAN K, et al. Characterization of a trypsindependent avian influenza H5N1-pseudotyped HIV vector system for high throughput screening of inhibitory molecules [J]. Antiviral Res, 2008, 79(1): 12-8.
- [19] GUO Y, RUMSCHLAG-BOOMS E, WANG J, et al. Analysis of hemagglutinin-mediated entry tropism of H5N1 avian influenza [J]. Virol J, 2009, 6: 39.
- [20] FERRARA F, MOLESTI E, BOTTCHER-FRIEBERTSHAUSER E, et al. The human transmembrane protease serine 2 is necessary for the production of group 2 influenza a virus pseudotypes [J]. J Mol Genet Med, 2012, 7: 309-14.
- [21] KLAGES N, ZUFFEREY R, TRONO D. A stable system for the high-titer production of multiply attenuated lentiviral vectors [J].

Mol Ther, 2000, 2(2): 170-6.

- [22] YANG X, CHI H, WU M, et al. Discovery and characterization of SARS-CoV-2 reactive and neutralizing antibodies from humanized CAMouse(HG) mice through rapid hybridoma screening and high-throughput single-cell V(D)J sequencing [J]. Front Immunol, 2022, 13: 992787.
- [23] HOFFMANN M, KRUGER N, SCHULZ S, et al. The Omicron variant is highly resistant against antibody-mediated neutralization: implications for control of the COVID-19 pandemic [J]. Cell, 2022, 185(3): 447-56,e11.
- [24] ZHANG F, LI W, FENG J, et al. SARS-CoV-2 pseudovirus infectivity and expression of viral entry-related factors ACE2, TM-PRSS2, Kim-1, and NRP-1 in human cells from the respiratory, urinary, digestive, reproductive, and immune systems [J]. J Med Virol, 2021, 93(12): 6671-85.
- [25] HOFFMANN M, KLEINE-WEBER H, SCHROEDER S, et al. SARS-CoV-2 cell entry depends on ACE2 and TMPRSS2 and is blocked by a clinically proven protease inhibitor [J]. Cell, 2020, 181(2): 271-80,e8.
- [26] SEPTISETYANI E P, PRASETYANINGRUM P W, ANAM K, et al. SARS-CoV-2 antibody neutralization assay platforms based on epitopes sources: live virus, pseudovirus, and recombinant S glycoprotein RBD [J]. Immune Netw, 2021, 21(6): e39.
- [27] WANG X, CHEN C H, BADETI S, et al. Deletion of ERretention motif on SARS-CoV-2 spike protein reduces cell hybrid during cell-cell fusion [J]. Cell Biosci, 2021, 11(1): 114.
- [28] HU J, GAO Q, HE C, et al. Development of cell-based pseudovirus entry assay to identify potential viral entry inhibitors and neutralizing antibodies against SARS-CoV-2 [J]. Genes Dis, 2020, 7(4): 551-7.
- [29] WILMANN P G, BATTAD J, PETERSEN J, et al. The 2.1A crystal structure of copGFP, a representative member of the copepod clade within the green fluorescent protein superfamily [J]. J Mol Biol, 2006, 359(4): 890-900.
- [30] LOW K, BLESCH A, HERRMANN J, et al. A dual promoter lentiviral vector for the *in vivo* evaluation of gene therapeutic approaches to axon regeneration after spinal cord injury [J]. Gene Ther, 2010, 17(5): 577-91.
- [31] NEERUKONDA S N, VASSELL R, HERRUP R, et al. Establishment of a well-characterized SARS-CoV-2 lentiviral pseudovirus neutralization assay using 293T cells with stable expression of ACE2 and TMPRSS2 [J]. PLoS One, 2021, 16(3): e0248348.
- [32] YAN Y, CHANG L, LUO W, et al. Comparison of seven commercial severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 nucleic acid detection reagents with pseudovirus as quality control material [J]. J Mol Diagn, 2021, 23(3): 300-9.
- [33] YANG P, YANG Y, WU Y, et al. An optimized and robust SARS-CoV-2 pseudovirus system for viral entry research [J]. J Virol Methods, 2021, 295: 114221.
- [34] HUANG S W, TAI C H, HSU Y M, et al. Assessing the application of a pseudovirus system for emerging SARS-CoV-2 and reemerging avian influenza virus H5 subtypes in vaccine development [J]. Biomed J, 2020, 43(4): 375-87.