## miR-30a-5p在高糖引起人微血管内皮损伤中的 作用机制

白友菊<sup>1,2</sup> 张路<sup>1,2</sup> 张娇<sup>1,2</sup> 周波<sup>1\*</sup> (<sup>1</sup>重庆医科大学附属第一医院内分泌科,重庆 400016; <sup>2</sup>重庆医科大学附属第一医院, 重大代谢性疾病转化医学重点实验室,重庆 400016)

摘要 该研究主要探讨miR-30a-5p对高糖培养的人微血管内皮细胞生物学行为的影响及其 可能潜在的机制。采用RT-qPCR分别检测正糖组、渗透压组和高糖组中miR-30a-5p的表达差异,并 上调miR-30a-5p,通过EdU、Transwell实验、成管实验、β-半乳糖苷酶染色和Western blot检测p21 的表达以观察细胞的增殖、迁移、成管和衰老情况。同时检测p53蛋白的表达,探索miR-30a-5p对 高糖培养的人微血管内皮胞生物学行为的调节是否是通过直接靶向p53的。结果显示,高糖可显著 下调内皮细胞中miR-30a-5p的表达,促进细胞衰老,抑制其增殖、迁移和成管能力。上调miR-30a-5p可改善高糖诱导的内皮细胞衰老,并在一定程度上逆转高糖对其生物学行为的抑制作用。进一 步研究发现,高糖虽在下调人微血管内皮细胞中miR-30a-5p表达的同时,显著增加了p53的表达,但 上调miR-30a-5p后,p53并无显著改变。以上结果提示,miR-30a-5p对高糖条件下内皮细胞生物学 行为的改善作用可能存在其他机制,并非直接靶向调节p53。

关键词 内皮细胞; miR-30a-5p; 细胞衰老; 血管形成

### Mechanism of miR-30a-5p in Human Microvascular Endothelial Injury Induced by High Glucose

BAI Youju<sup>1,2</sup>, ZHANG Lu<sup>1,2</sup>, ZHANG Jiao<sup>1,2</sup>, ZHOU Bo<sup>1\*</sup>

(<sup>1</sup>Department of Endocrinology, the First Affiliated Hospital of Chongqing Medical University, Chongqing 400016, China; <sup>2</sup>The Chongqing Key Laboratory of Translational Medicine in Major Metabolic Diseases, the First Affiliated Hospital of Chongqing Medical University, Chongqing 400016, China)

**Abstract** This study was to investigate the effect of miR-30a-5p on the biological behavior of human microvascular endothelial cells cultured in high glucose and its possible underlying mechanism. RT-qPCR was used to detect the expression of miR-30a-5p in the normal glucose group, osmotic pressure group and high glucose group respectively. Meanwhile, the cell proliferation, migration, tube formation and senescence were observed with or without up-regulated miR-30a-5p through EdU staining, Transwell assay, tube formation assay,  $\beta$ -galactosidase staining and the expression of p21 analysis. Finally, the expression of p53 in each group was detected to explore whether the protective effect of miR-30a-5p on human microvascular endothelial cells under high glucose conditions is to directly target p53. Result shows that high glucose can significantly down-regulate the expression of miR-30a-5p in endothelial cells, promoting cell senescence, and inhibit its proliferation, migration and tube forma-

收稿日期: 2020-08-04 接受日期: 2020-09-15

\*通讯作者。Tel: 18225369881, E-mail: zhoubo915@126.com

国家自然科学基金(批准号: 81370940)资助的课题

Received: August 4, 2020 Accepted: September 15, 2020

This work was supported by the National Natural Science Foundation of China (Grant No.81370940)

<sup>\*</sup>Corresponding author. Tel: +86-18225369881, E-mail: zhoubo915@126.com

URL: http://www.cjcb.org/arts.asp?id=5384

tion. Up-regulation of miR-30a-5p can reduce the cell senescence induced by high glucose, and reverse the inhibitory effect of high glucose on its biological behavior to a certain extent. In addition, the study also found that although high glucose significantly reduced the expression of miR-30a-5p and increased the expression of p53, there was no parallel change in p53 expression after upregulation of miR-30a-5p. That suggests that miR-30a-5p may improve the biological behavior of endothelial cells under high glucose through other mechanism, rather than directly targeting p53.

Keywords endothelial cells; miR-30a-5p; cell senescence; angiogenesis

创面愈合困难系糖尿病常见的并发症, 慢性高 血糖所致的血管形成障碍被认为是诱发上述病理生 理现象的关键环节[1-2]。既往研究已证实, 高糖可诱 导内皮细胞衰老,影响其增殖、迁移,从而导致血 管形成受损[3-4],但其分子机制尚未完全阐明。近年 来,miRNA与血管形成间的关系引人注目<sup>[5]</sup>,研究表 明, miR-30a在糖尿病大鼠伤口组织中的表达显著下 调<sup>[6]</sup>, 且还有研究发现, miR-30a-5p在增殖期的人脐 静脉内皮细胞(human umbilical vein endothelial cells, HUVECs)中高表达[7],并介导血管形成<sup>[8]</sup>。另有学 者亦证实,该miRNA可抑制BJ人原代成纤维细胞的 衰老<sup>[9]</sup>,且该过程可能与其靶基因p53关系密切<sup>[10-11]</sup>。 为此,本文以miR-30a-5p为切入点,选择人微血管 内皮细胞(human microvascular endothelial cell line, HMEC-1)为研究对象,体外模拟高糖环境,检测高糖 负荷对HMEC-1中miR-30a-5p表达的影响,同时观察 细胞衰老、增殖、迁移和成管的变化;并进一步探 讨高糖诱导HMEC-1生物学行为的改变是否依赖于 miR-30a-5p; 最后通过Western blot检测p53的表达, 探索miR-30a-5p对该过程的调节是否通过直接靶向 p53, 以期从miRNA的角度探究高糖所致血管内皮 损伤的新机制。

#### 1 材料与方法

#### 1.1 材料与试剂

HMEC-1购自上海中乔新舟生物技术有限公司; ECM培养基购自美国Sciencell公司; *D*-葡萄糖、甘 露醇购自美国Sigma公司; EdU试剂盒、miR-30a-5p agomir、agomir NC、miR-30a-5p/U6逆转录及PCR 引物购自广州市锐博生物科技有限公司; 转染试剂 Lipo8000、胰蛋白酶、RIPA裂解液、BCA蛋白浓 度检测试剂盒、SDS-PAGE凝胶配制试剂盒、显影 液、β-半乳糖苷酶试剂盒均购自上海碧云天生物技 术公司; PVDF膜购自美国Millipore公司; 封闭奶粉 购自成都百乐科技有限公司; Transwell小室购自美 国Corning公司; Mtrigel胶购自美国BD公司; Trizol 试剂、RNA逆转录试剂盒及SYBR Green购自日本 TaKaRa公司; p53单克隆抗体购自CST公司; p21单克 隆抗体购自美国Proteintech公司; β-actin单克隆抗体 购自天津三箭生物技术股份有限公司; HRP标记二 抗购自北京中杉金桥生物技术有限公司。

#### 1.2 细胞培养与分组

HMEC-1于37 °C、5% CO<sub>2</sub>条件下用内皮细胞 培养基(endothelial cell medium, ECM)传代培养,第 4~7代用于实验。(1)研究高糖对HMEC-1的影响 时,分3组。正糖组(NG: 5.5 mmol/L *D*-葡萄糖)、渗 透压组(OSM: 5.5 mmol/L *D*-葡萄糖+24.5 mmol/L甘 露醇)、高糖组(HG: 30 mmol/L *D*-葡萄糖)。(2)研 究miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1的影响时,分3 组。高糖对照组(30 mmol/L *D*-葡萄糖)、阴性对照 组(agomir NC+30 mmol/L *D*-葡萄糖)、miR-30a-5p 干预组(miR-30a-5p agomir+30 mmol/L *D*-葡萄糖)。 所有分组中高糖均干预48 h。

# **1.3 miR-30a-5p agomir**及其阴性对照**agomir** NC 的转染

根据说明书使用Lipo8000为助转剂进行转染。 未经处理的为空白对照组记为control组,转染agomir NC的阴性对照组记为agomir NC组,转染miR-30a-5p agomir的组记为miR-30a-5p agomir组。转染成功后 的细胞(包括空白对照组),传代后予以高糖培养48 h 用于后续实验,即高糖对照组(HG)、阴性对照组 (HG+agomir NC)和miR-30a-5p干预组(HG+miR-30a-5p agomir)。

#### 1.4 HMEC-1生物学行为的检测

1.4.1 衰老相关的β-半乳糖苷酶染色实验 细胞于 6孔板中分组干预培养48 h, PBS清洗, 加入1 mL染色 固定液, 室温固定20 min, PBS清洗后加入1 mL染色 工作液(染色液A: 10 μL、染色液B: 10 μL、染色液C:
930 μL、X-Gal: 50 μL), 37 °C非二氧化碳孵箱中孵 育过夜。PBS清洗2次, 加入2 mL PBS, 每孔随机选 择3个不同的区域,100×倒置显微镜下观察并采集图像。实验重复3次,以细胞阳性率[(蓝色细胞数/总细胞数)×100%]表示细胞衰老程度。

1.4.2 增殖实验 采用EdU实验检测细胞增殖:96 孔板接种6×10<sup>3</sup>个细胞,每组3个复孔,干预48 h,加 入ECM培养基稀释的EdU溶液,37 °C孵育2 h。PBS 清洗、多聚甲醛(4%)固定、甘氨酸和渗透剂孵育, 清洗后加入1× Apollo染色反应液,避光、室温孵育 30 min。再加渗透剂,PBS清洗后,加入1× Hoechst 33342反应液,避光、室温孵育30 min,PBS洗后于 100×倒置荧光显微镜下随机选取3个视野计数统计。 实验重复3次,以(红色荧光数/蓝色荧光数)×100%表 示细胞的增殖能力。

1.4.3 迁移实验 采用Transwell实验检测细胞迁 移: 计数并调整细胞浓度为2×10<sup>5</sup>个/mL。24孔板中 加入600 μL ECM完全培养基, 放入小室, 上室加入 100 μL细胞悬液, 培养24 h。PBS清洗, 4%多聚甲醛 固定30 min, 0.1%结晶紫染色15 min, 用湿棉签擦去 上室底部膜表面的细胞, PBS洗后于100×倒置显微 镜下随机选取3个视野观察并采集图像。实验重复3 次, 计数并统计每个视野中迁移的细胞数。

1.4.4 基质胶成管实验 ECM培养基按1:1稀释基 质胶,48孔板中加入180 μL基质胶培养基混合液, 37 °C放置30 min。每孔加4×10<sup>4</sup>个细胞(悬于500 μL 基础培养基内),37 °C孵箱培养,第4、8 h于100×倒 置显微镜下观察并采集图像。实验重复3次,采用 Image J软件对细胞所形成的血管分支总长度和网格 数目进行统计分析。

#### 1.5 实时荧光定量PCR(RT-qPCR)

Trizol提取细胞总RNA, 茎环法逆转录miR-30a-5p及内参U6, 具体操作严格按逆转录试剂盒说明书 进行。采用SYBR Green进行实时荧光定量PCR。依据PCR反应所得的Ct值,计算目的基因相对表达量,即2<sup>-4ACt</sup>。

#### 1.6 蛋白提取与Western blot

按RIPA:PMSF=100:1配制细胞裂解液,冰上裂解 细胞并提取蛋白,按说明书配制12%的分离胶。电泳 后,低温将蛋白电转至PVDF膜上,TBST洗膜,5%脱 脂奶粉室温封闭2h。洗膜,一抗稀释液稀释一抗(p21 稀释比例1:1000、p53稀释比例1:1000、β-actin稀释 比例1:1000),4°C孵育过夜。洗膜,室温二抗孵育1h, TBST洗膜3次,采用ECL发光检测,Fusion软件对蛋白 进行定量分析。

#### 1.7 统计学处理

采用GraphPad prism 6.0软件对数据进行统计 分析,资料采用均数±标准差(x±s)表示(n≥3)。多组 比较采用单因素方差分析,组间进一步两两比较采 用Turkey法, P<0.05为差异有统计学意义。

#### 2 结果

#### 2.1 高糖对HMEC-1中miR-30a-5p表达的影响

采用RT-qPCR检测正糖组、渗透压组和高糖 组HMEC-1中miR-30a-5p的表达情况以探索高糖对 miR-30a-5p表达的影响。结果显示,与正糖组相比, 渗透压组miR-30a-5p的表达差异无统计学意义,而 高糖组中该miRNA的表达却显著下调(P<0.05,图 1)。说明高糖可下调HMEC-1中miR-30a-5p的表达, 且该过程与渗透压效应无关。

#### 2.2 高糖对HMEC-1衰老及生物学行为的影响

2.2.1 高糖对HMEC-1衰老的影响 通过Western blot检测p21蛋白表达和β-半乳糖苷酶(senescenceassociated β-galactosidase, SA-β-gal)染色(阳性呈蓝)



\*P<0.05, 与正糖组相比。 \*P<0.05 vs NG group.



色)来判定细胞衰老情况。结果显示,高糖组SA-β-gal阳性率(62.17±7.182)%较正糖组(30.96±2.324)% 显著增加,且p21的表达也明显高于正糖组(P<0.05, 图2A),而正糖组和渗透压组(32.02±2.882)%间并无 明显的统计学差异。表明高糖可通过非渗透压的方 式诱导HMEC-1衰老。

2.2.2 高糖对HMEC-1增殖的影响 采用EdU实验 检测细胞增殖,荧光显微镜下观察, Hoechst 33342 将细胞核染成蓝色, EdU(红色)代表处于增殖期的细

胞。结果显示,高糖组(30.61±0.2510)%中细胞的增 殖能力较正糖组(42.25±0.4089)%显著减弱(P<0.05, 图2B),而正糖组与渗透压组(39.74±1.3680)%间无显 著差异。说明高糖可抑制HMEC-1的增殖能力,且 与渗透压作用无关。

2.2.3 高糖对HMEC-1迁移的影响 Transwell 实验结果显示,相比于正糖组209.0±2.082,高糖 组143.0±2.517细胞在24 h时的迁移数量显著减少 (P<0.05,图2C),而正糖组与渗透压组221.3±4.096间



A: Western blot检测各组中p21的表达及细胞SA-β-gal染色; B: EdU检测各组细胞的增殖情况; C: Transwell实验检测各组细胞迁移情况。 \*P<0.05, 与正糖组相比。

A: the expression of p21 protein measured by Western blot and the SA- $\beta$ -gal assay in each group; B: cell proliferation was detected with EdU in each group; C: cell migration was detected with Transwell assay. \*P<0.05 vs NG group.

图2 高糖对HMEC-1衰老、增殖和迁移的影响

Fig.2 Effects of high glucose on senescence, proliferation and migration of HMEC-1

的数据无统计学差异。表明高糖可抑制HMEC-1的 迁移能力,且此效应与渗透压作用无关。

2.2.4 高糖对HMEC-1成管的影响 基质胶成管实 验表明,相比于正糖组,高糖组中HMEC-1的成管能 力减弱,细胞所形成的血管分支总长度及网格数在 第4、8 h时均显著减少(P<0.05,图3),而正糖组与渗 透压组间无显著差异。证明高糖可减弱HMEC-1的 血管形成能力,且与渗透压效应无关。

**2.3** miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1生物学行为的影响

为探究高糖对HMEC-1生物学行为的抑制作 用是否与miR-30a-5p的下调有关,采用miR-30a-5p agomir转染该细胞,结果显示,agomir转染后, HMEC-1中miR-30a-5p的表达相较空白与阴性对照 组均显著上调(P<0.05,图4)。

2.3.1 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1衰老的影响



\*P<0.05, 与正糖组相比。 \*P<0.05 vs NG group.

图3 高糖对HMEC-1成管能力的影响 Fig.3 Effect of high glucose on tube formation of HMEC-1



\*P<0.05, 与阴性对照组相比。 \*P<0.05 vs agomir NC group.

图4 miR-30a-5p agomir转染后HMEC-1中该miRNA的表达 Fig.4 The expression of miR-30a-5p in HMEC-1 after miR-30a-5p agomir intervention

结果(图5A)显示,相比于高糖对照组(62.17±7.182)% 和阴性对照组(63.29±1.861)%,miR-30a-5p干预组 (28.94±4.008)%中SA-β-gal染色阳性率显著降低,且 p21的表达明显下调(P<0.05)。表明上调miR-30a-5p可抑制高糖诱导的内皮细胞中p21的表达上调,改善HMEC-1的衰老。



A: Western blot检测各组中p21的表达及细胞SA-β-gal染色; B: EdU检测各组细胞的增殖情况; C: Transwell实验检测各组细胞迁移情况。 \*P<0.05, 与agomir阴性对照组相比。

A: the expression of p21 protein measured by Western blot and the SA- $\beta$ -gal assay in each group; B: cell proliferation was detected with EdU in each group; C: cell migration was detected with Transwell assay. \*P<0.05 vs agomir NC group.

图5 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1的衰老、增殖和迁移的影响

Fig.5 Effects of miR-30a-5p on senescence, proliferation and migration of HMEC-1 under high glucose conditions



图6 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1成管的影响 Fig.6 Effect of miR-30a-5p on tube formation of HMEC-1 under high glucose conditions

2.3.2 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1增殖的影响 如图5B所示, miR-30a-5p干预组(43.39±1.488)%细胞 的增殖能力较高糖对照组(29.58±1.243)%和阴性对 照组(29.48±0.7981)%显著增强(P<0.05)。提示上调 miR-30a-5p可逆转高糖对HMEC-1增殖的抑制作用。 2.3.3 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1迁移的影 响 结果(图5C)显示,与高糖对照组114.3±8.090 和阴性对照组111.3±6.960相比, miR-30a-5p干预组 219.0±12.77中HMEC-1在24 h时所迁移的细胞数显 著增多(P<0.05)。说明上调miR-30a-5p可增加高糖 条件下HMEC-1的迁移能力。

2.3.4 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1成管的影响 如图6所示,miR-30a-5p干预组中的细胞在第
4、8 h时所形成的血管分支总长度和网格数均较阴性对照组显著增加(P<0.05)。表明上调miR-30a-5p可促进高糖条件下HMEC-1的血管形成。</li>

#### 2.4 miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1生物学行 为的调节与p53的关系

前述研究已知,高糖可下调miR-30a-5p,促进 HMEC-1的衰老,抑制其增殖、迁移和血管形成; 而上调miR-30a-5p能够起着逆转高糖的作用,改善 HMEC-1的衰老,促进其增殖、迁移和血管形成。 为进步一探索miR-30a-5p对该过程的调节是否是通 过直接靶向p53的,本研究分别采用Western blot检 测高糖在下调miR-30a-5p时p53的表达,及高糖条件 下上调miR-30a-5p后p53的表达。结果显示,相比于 正糖组和渗透压组,高糖组中p53的表达显著上调 (P<0.05,图7A);但上调miR-30a-5p的表达后,p53的 表达并无明显下调(P<0.05,图7B)。提示miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1生物学行为(衰老、增殖、 迁移和成管)的调节可能存在其他机制,并非通过直 接靶向调节p53。

#### 3 讨论

糖尿病创面难愈目前仍是困扰内分泌界的一 大难题。数据显示, 30%的糖尿病患者终其一生会 发生糖尿病足溃疡, 全球每20 s就有1人因糖尿病而 截肢<sup>[12]</sup>。尽管在过去数十年里, 新的治疗方法不断 涌现, 但真正有效的方法仍在进一步的探索中<sup>[13]</sup>。 研究表明, 促进创面血管形成, 改善血供可有效促进 糖尿病创面的愈合<sup>[14]</sup>。血管形成是指在已有成熟血 管的基础上, 内皮细胞出芽形成新的毛细血管, 这与



A: 高糖对HMEC-1中p53表达的影响。\*P<0.05, 与正糖组相比; B: miR-30a-5p对高糖条件下HMEC-1中p53表达的影响。n.s.: P>0.05, 与agomir 阴性对照组相比。

A: effect of high glucose on p53 expression in HMEC-1. \*P<0.05 vs NG group; B: effect of miR-30a-5p on p53 expression in HMEC-1 under high glucose conditions. n.s.: P>0.05 vs agomir NC group.

图7 各组细胞中p53的表达情况 Fig.7 Expression of p53 protein in each group

内皮细胞的功能状态密切相关<sup>[15]</sup>。探索并阐明高糖 所致内皮损伤的分子机制,或能在一定程度上为改 善高糖条件下内皮细胞的生物学行为,促进血管形 成提供新的思路。

现有的研究提示,高糖可诱导内皮细胞衰老, 导致其血管形成能力受损[16]。细胞衰老是指细胞不 可逆的生长停滞,常表现为端粒酶的缩短与β-半乳 糖苷酶的增加,以及细胞周期蛋白p53、p21和p16的 激活,但并非所有衰老的细胞都能同时具备以上特 征<sup>[17]</sup>。研究发现, miR-30家族可促进血管形成, 且在 衰老的HUVECs及其分泌的囊泡中表现出不同程度 的下调<sup>[18-19]</sup>。然而miR-30a-5p作为miR-30家族的一员, 其对高糖条件下内皮细胞衰老与血管形成的影响及 机制还有待探索。本研究结果显示, 高糖可显著下 调HMEC-1中miR-30a-5p的表达、增加β-半乳糖苷酶 和p21的表达,促进细胞衰老,抑制其增殖、迁移和 血管形成。而上调miR-30a-5p可有效逆转高糖诱导 的HMEC-1衰老,改善其增殖、迁移和成血管能力。 以上结果表明, miR-30a-5p可有效改善高糖环境下内 皮细胞的生物学行为,促进其血管形成,但其能否在 整体上促进糖尿病创面的愈合尚需进一步研究。

既往研究显示, miR-30a-5p可直接靶向调节p53 而调控细胞的凋亡<sup>[20-21]</sup>,但目前尚没有关于miR-30a-5p/p53在细胞衰老尤其是高糖诱导的内皮细胞衰老 中的研究。本研究中,高糖显著增加了内皮细胞中 p53的表达,这与TOUSIAN等<sup>[22]</sup>的研究结果相一致。 但进一步上调miR-30a-5p后, p53并未出现明显的下 调改变,这也在一定程度上说明了miR-30a-5p对高 糖条件下内皮细胞生物学行为的改善作用可能存在 其他机制,而并非通过直接靶向调节p53。关于miR-30a-5p调节细胞衰老的可能机制,有研究发现,miR-30家族直接或间接地参与了衰老相关基因Sirt1的调 节[23],且近期的一项基于三种不同算法的生物信息 学预测发现,miR-30a-5p与Sirt1的mRNA之间可能存 在相互作用<sup>[19]</sup>。此外,还有研究提示,miR-30a-5p可 通过抑制CHD7(诱导p16必不可少的共转录激活因 子)和TNRC6A(与DNA损伤和p53激活有关)的表达 而抑制BJ人原代成纤维细胞的衰老<sup>[9]</sup>。但在调节高 糖诱导的内皮细胞衰老及生物学行为时, miR-30a-5p与Sirt1、CHD7和TNRC6A之间是否存在直接的 调节作用仍需进一步的研究证实。总之,本文结果 表明,上调miR-30a-5p可逆转高糖诱导的HMEC-1细 胞的衰老,改善高糖对其增殖、迁移的抑制作用,从 而促进高糖条件下内皮细胞血管形成,但此过程并 非通过靶向调节p53。下一步,本小组将进一步采用 转录组学技术探索上述有益作用的具体机制。

#### 参考文献 (References)

- MCEWEN L N, YLITALO K R, HERMAN W H, et al. Prevalence and risk factors for diabetes-related foot complications in translating research into action for diabetes (TRIAD) [J]. J Diabetes Complications, 2013, 27(6): 588-92.
- [2] OKONKWO U A, CHEN L, MA D, et al. Compromised angiogenesis and vascular Integrity in impaired diabetic wound healing [J]. PLoS One, 2020, 15(4): e0231962.
- [3] LIU J, CHEN S, BISWAS S, et al. Glucose-induced oxidative stress and accelerated aging in endothelial cells are mediated by the depletion of mitochondrial SIRTs [J]. Physiol Rep, 2020, 8(3): e14331.
- [4] URYGA A K, BENNETT M R. Ageing induced vascular smooth muscle cell senescence in atherosclerosis [J]. J Physiol, 2016, 594(8): 2115-24.
- [5] WEI L, SUN C, ZHANG Y, et al. miR-503-5p inhibits colon cancer tumorigenesis, angiogenesis, and lymphangiogenesis by directly downregul ating VEGF-A [J]. Gene Ther, 2020, doi: 10.1038/s41434-020-0167-3.
- [6] LIU Y F, DING M, LIU D W, et al. MicroRNA profiling in cutaneous wounds of diabetic rats [J]. Genet Mol Res, 2015, 14(3): 9614-25.
- [7] ANAND S, MAJETI B K, ACEVEDO L M, et al. MicroRNA-132-mediated loss of p120RasGAP activates the endothelium to facilitate pathological angiogenesis [J]. Nat Med, 2010, 16(8): 909-14.
- [8] BRIDGE G, MONTEIRO R, HENDERSON S, et al. The microRNA-30 family targets DLL4 to modul ate endothelial cell behavior during angiogenesis [J]. Blood, 2012, 120(25): 5063-72.
- [9] SU W, HONG L, XU X, et al. miR-30 disrupts senescence and promotes cancer by targeting both p16(INK4A) and DNA damage pathways [J]. Oncogene, 2018, 37(42): 5618-32.
- [10] LI J, DONATH S, LI Y, et al. miR-30 regulates mitochondrial fission through targeting p53 and the dynamin-related protein-1 pathway [J]. PLoS Genet, 2010, 6(1): e1000795.

- [11] ZHANG C, LIAO P, LIANG R, et al. Epigallocatechin gallate prevents mitochondrial impairment and cell apoptosis by regul ating miR-30a/p53 axis [J]. Phytomedicine, 2019, 61: 152845.
- [12] 陈明卫, 许樟荣. 糖尿病足病: 时代在改变[J]. 中华糖尿病杂志 (CHEN M W, XU Z R. Diabetic foot disease: times are changing
   [J]. Chinese Journal of Diabetes Mellitus), 2020, 12(6): 359-63.
- [13] MELONI M, IZZO V, GIURATO L, et al. Prevalence, clinical aspects and outcomes in a large cohort of persons with diabetic foot disease: comparison between neuropathic and ischemic ulcers [J]. J Clin Med, 2020, 9(6): 1780-91.
- [14] PAWAR K B, DESAI S, BHONDE R R, et al. Wound with diabetes: present scenario and future [J]. Curr Diabetes Rev, 2020, doi: 10.2174/1573399816666200703180137.
- [15] RIDIANDRIES A, TAN J T, BURSILL C A. The role of CCchemokines in the regul ation of angiogenesis [J]. Int J Mol Sci, 2016, 17(11): 1856-72.
- [16] JIA G, AROOR A R, JIA C, et al. Endothelial cell senescence in aging-related vascular dysfunction [J]. Biochim Biophys Acta Mol Basis Dis, 2019, 1865(7): 1802-9.
- [17] SUH N. MicroRNA controls of cellular senescence [J]. BMB Rep, 2018, 51(10): 493-9.
- [18] JIANG Q, LAGOS-QUINTANA M, LIU D, et al. miR-30a regulates endothelial tip cell formation and arteriolar branching[J]. Hypertension, 2013, 62(3): 592-8.
- [19] MENSA E, GUESCINI M, GIULIANI A, et al. Small extracellular vesicles deliver miR-21 and miR-217 as pro-senescence effectors to endothelial cells [J]. J Extracell Vesicles, 2020, 9(1): 1725285.
- [20] FORINI F, KUSMIC C, NICOLINI G, et al. Triiodothyronine prevents cardiac ischemia/reperfusion mitochondrial impairment and cell loss by regulating miR30a/p53 axis [J]. Endocrinology, 2014, 155(11): 4581-90.
- [21] WANG J, JIAO Y, CUI L, et al. miR-30 functions as an oncomiR in gastric cancer cells through regulation of P53-mediated mitochondrial apoptotic pathway [J]. Biosci Biotechnol Biochem, 2017, 81(1): 119-26.
- [22] TOUSIAN H, RAZAVI B M, HOSSEINZADEH H. Alphamangostin decreased cellular senescence in human umbilical vein endothelial cells [J]. Daru, 2020, 28(1): 45-55.
- [23] VOLKMANN I, KUMARSWAMY R, PFAFF N, et al. MicroRNA-mediated epigenetic silencing of sirtuin1 contributes to impaired angiogenic responses [J]. Circ Res, 2013, 113(8): 997-1003.